

- 일시: 2016년 07월 15일 오후 6시 30분 ~ 9시
- 장소: COEX 테이스팅룸
- 참석인원: 11명
 - 제 1 세부: 김주한 교수님, 서희원 연구원, 박유미 연구원, 윤선민 연구원
 - 제 2 세부 (서울대): 강형진 교수님, 최정윤 교수님
 - 제 3 세부 (아산): 임호준 교수님, 김혜리 교수님
 - 제 4 세부 (삼성): 유건희 교수님, 정윤희 연구원
 - 랩지노믹스: 김지훈 박사님

1. 프로젝트 기간 및 목표

앞으로 3년 6개월 동안 프로젝트 진행 (당해년도 연구: 2017년 3월까지)
프로젝트의 결과로 인종별 차이를 밝혀 '약물에 대한 한국형 combination therapy (guideline)' 로 만들어지는 것이 목표.

2. 분석 데이터 형태 및 계획

혈액으로 germline mutation 의 시퀀싱 분석을 시작.

(추후에 동일 샘플에 대한 somatic mutation 분석 고려.)

서울대의 Ion torrent 기계와 Thermo Fisher Scientific 사의 Life Technologies 기계를 이용하여 whole exome sequencing 및 whole genome sequencing 이 가능.

1~2 차 년도에는 매년 600~700 샘플의 exome sequencing 을 진행 예정.
세부별로 IRB 및 환자 동의서를 받아야 할 필요가 있음.

3. 데이터 공유

시퀀싱 데이터는 registry 를 이용해 공유하여 사용하고, 분석 및 논문은 구분하여 과제별로 진행 및 연구.

온라인 CRF 를 통해 환자 데이터 암호화하여 데이터 공유 가능.

4. 다음 미팅 날짜

일시: 7월 25일 오후 7시 (불가능 할 경우 4시)

장소: 서울역 부근 혹은 서울대 연건 캠퍼스